

第10回日本生物物理学会関東支部会プログラム

3月2日（火）

| | 開始時間 | 終了時間 | 発表者 | 所属 | 演題 |
|--------|-------|-------|-----------------|-------------------------|---|
| | 9:15 | 9:20 | 支部長挨拶 | | |
| セッション1 | 9:20 | 9:30 | 桑田 巧 | 創価大学大学院 理工学研究科生命理学専攻 | 大腸菌フェリチンの鉄コア形成過程における無機リン酸の影響 |
| | 9:30 | 9:50 | 松村 義隆 | 東京薬科大学生命科学部 | X線小角溶液散乱と分子動力学シミュレーションによるスエヒロタケ由来βグルカン・シゾフィラン単量体構造の観測 |
| | 9:50 | 10:10 | 佐藤 那音 | 東大・総合文化・生命環境 | 転写コアクチベーターCBPのKIXドメインと転写アクチベーターとの相互作用を標的としたPPI阻害剤の合理的設計 |
| | 10:10 | 10:30 | 大岡 紘治 | 東京大学大学院 理学系研究科 | 統計力学モデルの拡張によるタンパク質のフォールディング機構の解析 |
| | 10:30 | 10:40 | 休憩 | | |
| セッション2 | 10:40 | 10:50 | 川崎 佑真 | 東京大学物性研究所 | Methanoculleus属古細菌由来シゾロドプシンの熱安定性評価 |
| | 10:50 | 11:00 | 井上 絢恵 | 東京農工大学・工 | ラテックス凝集法を用いた抗 Dengue 3 型ウイルス由来エンベロープタンパク質第3ドメイン抗体の検出 |
| | 11:00 | 11:10 | オンチャイヤ サワロス | 東京農工大学・工 | PSD95-PDZ3の熱変性過程で可逆的に形成された高温での可逆的なオリゴマーのリバースエンジニアリング |
| | 11:10 | 11:20 | 菅生 優 | 東京大学工学部応用化学科 | 光合成反応中心におけるプロトン移動経路同定と機能解明 |
| | 11:20 | 11:40 | 西尾 俊哉 | 東京大学工学部応用化学科 | 水分解酸素発生触媒におけるS ₂ 中間体の同定 |
| | 11:40 | 12:00 | 菅野 南花 | 東京大学工学部応用化学科 | Fucoxanthin chlorophyll a/c-binding protein中chlorophyll cの光吸収エネルギーを決定する要因 |
| | 12:00 | 13:00 | 昼食 | | |
| | 開始時間 | 終了時間 | 発表者 | 所属 | 演題 |
| セッション3 | 13:00 | 13:20 | 神田 知樹 | 東京大学工学部応用化学科 | 光化学系Iにおける鉄硫黄錯体を介した特異な電子移動機構 |
| | 13:20 | 13:40 | 辻村 真樹 | 東京大学工学系研究科 応用化学専攻 | 光駆動ナトリウムポンプロドプシンKR2における中間体構造の同定 |
| | 13:40 | 13:50 | 黒澤 紋音 | 群馬大学 理工学部 化学・生物化学科 | Nanodiscに単離したバクテリオロドプシン三量体の光サイクルと安定性 |
| | 13:50 | 14:00 | 上野 真琴 | 群馬大学 理工学部 | 特異的なC末端を有する新規ロドプシン群の発見 |
| | 14:00 | 14:20 | 徳留 俊 | 群馬大学大学院 理工学府 | ヒト脳細胞由来脂肪酸結合タンパク質FABP3およびFABP7の網羅的な結合親和性解析 |
| | 14:20 | 14:35 | 休憩 | | |
| セッション4 | 14:35 | 14:45 | 季高 駿士 | 東大・総合文化・生命環境 | 実験と理論によるc-Myb-KIX間相互作用に重要なアミノ酸残基の同定 |
| | 14:45 | 14:55 | 寺西 美月 | 東京大学教養学部 統合自然科学科 | IL33-ST2のPPI阻害剤の論理的設計と実験的検証 |
| | 14:55 | 15:05 | Naima Jannatul | 東京農工大学・工学府 生命工学専攻 | Characterization of K ⁺ entry into mitochondria in C6 cells |
| | 15:05 | 15:25 | Aklima Jannatul | 東京農工大学・工学府 生命工学専攻 | Transient depolarization suppresses ROS production of mitochondria |
| | 15:25 | 15:35 | 高島 凧紗 | お茶の水女子大学大学院 | 機械学習による病理画像を用いた卵巣癌の再発予測 |
| | 15:35 | 15:55 | 三野 流斗 | 早稲田大学 | コオロギ科の新規ミトコンドリアゲノム解読およびアリゾカコオロギ属の分子進化解析 |
| | 15:55 | 16:10 | 休憩 | | |
| セッション5 | 16:10 | 16:30 | 上村 慎治 | 中央大学理工学部 生命科学科 | 微小管の非等方的冷却収縮 |
| | 16:30 | 16:40 | 林 映里 | 東京電機大学・理工 | PLA2高生産変異株における多世代ゲノム配列の解析 |
| | 16:40 | 16:50 | 玉尾 研二 | 東京大学工学部応用化学科 | 一分子インフルエンザウイルスゲノム決定法の開発 |
| | 16:50 | 17:10 | 大橋 徹也 | 東京大学工学部応用化学科 | 光ピンセットを用いたfLリアクタ回収技術の開発 |
| | 17:10 | 17:30 | 伊達 基起 | 東京大学工学部応用化学科 | 液液相分離による分子選択的濃縮効果を用いた高感度デジタルバイオアッセイの開発・検討 |

3月3日 (水)

| | 開始時間 | 終了時間 | 発表者 | 所属 | 演題 |
|---------|-------|-------|-----------------------|----------------------------------|---|
| セッション6 | 9:30 | 9:40 | 柳田 侑樹 | 創価大学大学院 理工学研究科生命理学専攻 | ループ構造がもたらすヘリックス安定化機構 |
| | 9:40 | 10:00 | 安澤 葉介 | 東大・新領域・メディカル 情報生命専攻 | 主鎖環状化したG-CSFの環状化部分の長さの違いが熱安定性と細胞増殖活性に及ぼす影響について |
| | 10:00 | 10:10 | 木賀 大介 | 早稲田大学 先進理工学部 電気・情報生命工学科 | 普遍遺伝暗号を用いた人工進化の限界：硫黄抜き酸化耐性GFPを例に |
| | 10:10 | 10:30 | 宮地 亮多 | 早稲田大学 先進理工学部 電気・情報生命工学科 | 単純化遺伝暗号を用いた酸化耐性GFPの創造 |
| | 10:30 | 10:40 | 満富 健太 | 早稲田大学 先進理工学部 電気・情報生命工学科 | 組換えと翻訳エラーの併用が進化の局所解トラップを緩和することの計算機実験による検証 |
| | 10:40 | 10:50 | 片岡 孝介 | 早稲田大学・理工学術院 | 量子アニーリング技術を用いたゲノムワイドSNP間相互作用検出の試み |
| | 10:50 | 11:00 | 休憩 | | |
| セッション7 | 11:00 | 11:20 | 多田 直生 | 群馬大・理工 | fliGに変異をもつSJW3060復帰突然変異体のうち粘性環境で遊泳を回復しない株の半流動性培地中の運動観察 |
| | 11:20 | 11:30 | 畑崎 優一郎 | 東京大学工学部 | エンジニアリング的アプローチによるF1-ATPase制御因子F1の作用機序の解明 |
| | 11:30 | 11:40 | 田口 真衣 | 東京大学工学部 | On chipスクリーニングに向けたF1-ATPaseのin vitro合成及び1分子回転観察系の構築 |
| | 11:40 | 11:50 | ISLAM MD ALRAZI | 創価大学大学院工学研究科 生命情報工学専攻 | 3つの光異性化状態を示す有糸分裂キネシンEg5のフォトクロミック阻害剤 |
| | 11:50 | 12:00 | 桑島 佑太郎 | 慶應義塾大学大学院 薬学研究科 | 細胞膜環境の変化と共役したTRPV4チャネルの活性調節機構の解析 |
| | 12:00 | 12:20 | 総会 | | |
| | 12:20 | 13:30 | 昼食 | | |
| | 開始時間 | 終了時間 | 発表者 | 所属 | 演題 |
| セッション8 | 13:30 | 13:40 | 古川 龍太郎 | 早稲田大学 人間科学学術院 | フェレドキシンの祖先配列推定に基づく原始タンパク質のアミノ酸組成の推定 |
| | 13:40 | 13:50 | 趙 方正 | 早稲田大学 人間科学学術院 | 祖先型リポソームタンパク質S8を用いた原始タンパク質のアミノ酸組成の探索 |
| | 13:50 | 14:10 | 小沼 剛 | 横浜市立大学・理 | NMR動的構造解析による転写因子Oct3/4ホメオドメインのDNA結合機構解明 |
| | 14:10 | 14:20 | Wijaya Tegar Nurwahyu | Tokyo Institute of Technology | Dynamics of Close-Open State of Candida antarctica Lipase B Obtained by Parallel Cascade Molecular Dynamics Simulation and The Markov State Model |
| | 14:20 | 14:30 | 中川 真由子 | 横浜市立大学生命医科学研究科 | 人工イオンチャネルの全原子分子動力学シミュレーション |
| | 14:30 | 14:40 | 吉田 夏海 | 横浜市立大学生命医科学研究科 | ヒトL型アミノ酸トランスポーター1と阻害剤JPH203の結合構造予測 |
| | 14:40 | 14:55 | 休憩 | | |
| セッション9 | 14:55 | 15:05 | セン ジンウエン | 東京農工大学・工 | Deng熱ウイルスED3における高頻出アミノ酸変異箇所の効率的な予測手法の開発 |
| | 15:05 | 15:15 | 安東 紫帆 | 東京農工大学・工 | 格子モデルを用いたCOVID-19等伝染性ウイルスの感染拡大シミュレーション |
| | 15:15 | 15:25 | Cheng ZhiRui | 東京農工大学・工 | 新型コロナウイルスの変異体予測モデルの開発 |
| | 15:25 | 15:45 | 杉原 加織 | 東京大学生産技術研究所 | 抗菌ペプチドのダブル・コオペラティブ効果 |
| | 15:45 | 16:05 | 小池 誠 | 小池誠マイクロ波研究所、 マイクロ特許事務所 | マイクロ波聴覚効果という物理現象 |
| | 16:05 | 16:20 | 休憩 | | |
| セッション10 | 16:20 | 16:30 | 加川 裕貴 | 東北大学工学部 | 神経疾患モデル線虫の運動性とシナプス形成異常の物理計測 |
| | 16:30 | 16:40 | 北 智輝 | 東北大学工学部 | 病気の回復に重要な分子モーター-KIF1Aの運動性の1分子ナノ計測 |
| | 16:40 | 16:50 | 谷本 翔汰 | 早稲田大学 先進理工学部 電気・情報生命工学科 | ゲノム編集によるHeLa細胞PDZD8へのHalo Tagノックイン |
| | 16:50 | 17:00 | 塩井 琢郎 | 早稲田大学 先進理工学部 電気・情報生命工学科 | ゲノム編集を用いたタグ導入によるPDZD8ダイナミクスの解析 |
| | 17:00 | 17:20 | 濱野 凌 | 東京理科大学・理 | 1細胞動画観察による4種類の珪藻の浮遊現象の比較 |
| | 17:20 | 17:30 | 安島 杏奈 | 群馬大学 理工学部 化学・生物化学科 | 機械学習を用いた血液脳関門透過薬剤およびP糖タンパク質阻害剤の分類とその解釈 |
| | 17:30 | 17:35 | 閉会の辞 | | |